



112408-122.ST25

SEQUENCE LISTING

<110> CARR, Francis Joseph
CARTER, Graham
HAMILTON, Anita Anne
ADAIR, Fiona Suzanne
WILLIAMS, Stephen

<120> METHODS FOR PROTEIN SCREENING

<130> 112408-122

<140> US 09/518,813

<141> 2000-03-03

<150> PCT/GB98/02649

<151> 1998-09-03

<150> US 60/070,063

<151> 1997-12-30

<150> US 60/070,062

<151> 1997-12-30

<150> US 60/070,037

<151> 1997-12-30

<150> US 60/070,050

<151> 1997-12-30

<150> GB 9718552.4

<151> 1997-09-03

<150> GB 9719834.5

<151> 1997-09-18

<150> GB 9720184.2

<151> 1997-09-14

<150> GB 9720522.3

<151> 1997-09-29

<150> GB 9720523.1

<151> 1997-09-29

<150> GB 9801255.2

<151> 1998-01-22

<150> GB 9803828.4

<151> 1998-02-25

<150> GB 9720524.9

<151> 1997-09-29

<150> GB 9807760.5

<151> 1998-04-14

<150> GB 9811130.5

<151> 1998-05-23

<150> GB 970525.6

<151> 1997-09-29

<160> 64

<170> PatentIn version 3.0

<210> 1

<211> 13

<212> DNA

<213> Kozak translation initiation sequence consensus

<400> 1

gccgccacca tgg

13

<210> 2

<211> 66

<212> DNA

<213> linker sequence between HindIII and Eco RI sites

<400> 2

agcttggccc agccggccat ggcccaggtc caactgcagg agctcgagat caaacgggcg

60

gccgcg

66

<210> 3

<211> 66

<212> DNA

<213> linker sequence between HindIII and Eco RI sites

<400> 3

aattcgcggc cgcccgtttg atctcgagct cctgcagttg gacctgggccc atggccggct

60

gggcca

66

<210> 4

<211> 14

<212> PRT

<213> amino acid linker sequence

<400> 4

Glu Gly Lys Ser Ser Gly Ser Gly Ser Glu Ser Lys Val Asp

1

5

10

<210> 5

<211> 28

<212> DNA
 <213> primer sequence
 <400> 5
 cagctgcagg agtctggggg aggcttag 28

<210> 6
 <211> 36
 <212> DNA
 <213> primer sequence
 <400> 6
 tcagtagacg gtgaccgagg ttccttgacc ccagta 36

EP
 <210> 7
 <211> 26
 <212> DNA
 <213> primer sequence
 <400> 7
 gtgacattga gtcacacag tctcct 26

<210> 8
 <211> 28
 <212> DNA
 <213> primer sequence
 <400> 8
 cagcccgttt tatctcgagc ttggtccg 28

<210> 9
 <211> 47
 <212> DNA
 <213> RD 5' HIS primer sequence
 <400> 9
 gcggatccca tatgcaccat catcaccatc accaggtgca gctgcag 47

<210> 10
 <211> 30
 <212> DNA
 <213> synthetic oligonucleotide
 <400> 10
 agaatacagg gtccaaatag aatccagggt 30

<210> 11
 <211> 50
 <212> DNA
 <213> synthetic oligonucleotide

<400> 11
 ctacctataa aaataggcgt atcacgaggc cctttcgtct tcaataattc 50

<210> 12
 <211> 54
 <212> DNA
 <213> synthetic oligonucleotide

<400> 12
 agcgaattca ccttgattc tatttgacc ctgtattcta cctataaaaa tagg 54

<210> 13
 <211> 61
 <212> DNA
 <213> synthetic oligonucleotide

<400> 13
 ggtttcctc tagaatacag ggtccaaata gaatccaggg taagaaggag atatacatat 60

g 61

<210> 14
 <211> 67
 <212> DNA
 <213> synthetic oligonucleotide

<400> 14
 atatatatgt cgacgaaatt aatacgactc actataggga gaccacaacg gtttcctct 60

agaatac 67

<210> 15
 <211> 50
 <212> DNA
 <213> synthetic oligonucleotide

<400> 15
 atatatatgt cgacgaaatt aatacgactc actataggga gaccacaacg 50

<210> 16
 <211> 33
 <212> DNA
 <213> forward primer sequence fdig1
 <400> 16
 ccgtatagat ctcagggtcaa actgcaggag tct 33

<210> 17
 <211> 66
 <212> DNA
 <213> reverse primer sequence rdig1

<400> 17
 ccgtatagat ctcagggtcaa actgcaggag tctccgtatg gatccccggt ttatttccaa 60
 ctttgt 66

<210> 18
 <211> 30
 <212> DNA
 <213> forward primer sequence fox1

<400> 18
 ccgtatagag atgtcgtgat gacccaaact 30

E/ <210> 19
 <211> 33
 <212> DNA
 <213> reverse primer sequence rox1

<400> 19
 ccgtatggat cctgaggaga cggtgactga ggt 33

<210> 20
 <211> 33
 <212> DNA
 <213> primer sequence m13f1

<400> 20
 ccgtatagat ctggcttttaa tgaggatcca ttc 33

<210> 21
 <211> 33
 <212> DNA
 <213> primer sequence m13rl

<400> 21
 ccgtatctcg agctgtagcg cgttttcatc ggc 33

<210> 22
 <211> 33
 <212> DNA
 <213> primer sequence m13f2

<400> 22
 ccgtatgtcg acggcttttaa tgaggatcca ttc 33

<210> 23
 <211> 33
 <212> DNA
 <213> primer sequence m13r2

<400> 23
 ccgtattgat cactgtagcg cgttttcatc ggc 33

<210> 24
 <211> 90
 <212> DNA
 <213> primer sequence fdig2

<400> 24
 ccgtatagat ctatgggatg gagctgtatc atcctcttct tggtagcaac agctacaggt 60
 gtccactccc aggtcaaact gcaggagtct 90

<210> 25
 <211> 90
 <212> DNA
 <213> primer sequence fox2

<400> 25
 ccgtatagat ctatgggatg gagctgtatc atcctcttct tggtagcaac agctacaggt 60
 gtccactccg atgtcgtgat gacccaaact 90

<210> 26
 <211> 21
 <212> DNA
 <213> oligonucleotide TAR1

<400> 26
 gatcagccag atttgagcag c 21

<210> 27
 <211> 21
 <212> DNA
 <213> oligonucleotide TAR2

<400> 27
 gatcgctgct caaatctggc t 21

<210> 28
 <211> 33
 <212> DNA
 <213> primer sequence il5f1

<400> 28
 ccgtatagat ctgaaattcc cactagtgca ttg 33

<210> 29
 <211> 72
 <212> DNA
 <213> primer sequence il5r1

 <400> 29
 ccgtatggat ccgacgtcct caagcttggga atattatcag tgatggatgat ggtgatgact 60
 ttctattatc ca 72

 <210> 30
 <211> 39
 <212> DNA
 <213> primer sequence il5f2

 <400> 30
 ccgtatagat ctaagcttga aattcccact agtgcattg 39

 <210> 31
 <211> 33
 <212> DNA
 <213> primer sequence il5r2

 <400> 31
 ccgtatggat ccactttcta ttatccactc ggt 33

 <210> 32
 <211> 27
 <212> DNA
 <213> biotinylated oligonucleotide

 <400> 32
 ttgaagctct ttgtgacggg cgaactc 27

 <210> 33
 <211> 17
 <212> DNA
 <213> primer sequence HuCK FOR

 <400> 33
 aggcagttcc agatttc 17

 <210> 34
 <211> 18
 <212> DNA
 <213> primer sequence scAB

 <400> 34
 gtgagctcga tgtcatcc 18

 <210> 35
 <211> 90

<212> DNA
 <213> primer sequence TATfor

 <400> 35
 ccgtatctcg agatgggatg gagctgtatc atcctcttct tggtagcaac agctacaggt 60
 gtccactccg aaccagtcga ccctagactg 90

 <210> 36
 <211> 21
 <212> DNA
 <213> primer sequence TATrev

 <400> 36
 gaattcggat ccttactatt c 21

 <210> 37
 <211> 28
 <212> DNA
 <213> primer sequence 340Vhfor

 <400> 37
 cagctgcagg agtctggggg aggcttag 28

 <210> 38
 <211> 36
 <212> DNA
 <213> primer sequence 340Vhbck

 <400> 38
 tcagtagacg gtgaccgagg ttccttgacc ccagta 36

 <210> 39
 <211> 26
 <212> DNA
 <213> primer sequence 340Vkfor

 <400> 39
 gtgacattga gctcacacag tctcct 26

 <210> 40
 <211> 27
 <212> DNA
 <213> primer sequence 340Vkbck

 <400> 40
 cagcccgttt tatctcgagc ttggtcc 27

 <210> 41
 <211> 39
 <212> DNA

<213> primer sequence 340 scFvfor

<400> 41
ccgtatagat ctatggaagt gcagctgcag gagtctggg 39

<210> 42

<211> 33

<212> DNA

<213> primer sequence 340scFvrev

<400> 42
ccgtatggat cctgcagcca cagtccgttt gat 33

<210> 43

<211> 33

<212> DNA

<213> forward primer sequence fox1

<400> 43
ccgtatagat ctgatgtcgt gatgacccaa act 33

<210> 44

<211> 33

<212> DNA

<213> reverse primer sequence rox1

<400> 44
ccgtatggat cctgaggaga cggtgactga ggt 33

<210> 45

<211> 32

<212> DNA

<213> forward primer sequence pCANTAB5

<400> 45
ccgtatggat ccgcggccca gccggccatg gc 32

<210> 46

<211> 33

<212> DNA

<213> reverse primer sequence pCANTAB5

<400> 46
ccgtatggat cccccgtgat ggtgatgatg atg 33

<210> 47

<211> 33

<212> DNA

<213> primer sequence il5f1

<400> 47

ccgtatagat ctgaaattcc cactagtgcgca ttg 33

<210> 48
 <211> 66
 <212> DNA
 <213> primer sequence il5r1

<400> 48
 ccgtatggat ccgacgtcct caagcttgga atattatcac ccgggacttt ctattatcca 60
 ctcggt 66

<210> 49
 <211> 66
 <212> DNA
 <213> primer sequence il5r2

<400> 49
 ccgtatggat ccgacgtcct caagcttgga ataccggggc catggacttt ctattatcca 60
 ctcggt 66

E1 <210> 50
 <211> 33
 <212> DNA
 <213> forward primer sequence fdigl

<400> 50
 ccgtatagat ctcaggtcaa actgcaggag tct 33

<210> 51
 <211> 33
 <212> DNA
 <213> reverse primer sequence rdigl

<400> 51
 ccgtatggat ccccgtttta tttccaactt tgt 33

<210> 52
 <211> 33
 <212> DNA
 <213> primer sequence PL1for

<400> 52
 ccgtatccat ggggatggaa agattgatgg aac 33

<210> 53
 <211> 33
 <212> DNA
 <213> primer sequence PL1bck

<400> 53
ccgtatcccg gggatacatc gtgtaagaat cta 33

<210> 54
<211> 33
<212> DNA
<213> primer sequence PL2for1

<400> 54
ccgtatcccg ggtaatgata catcagttgg aaa 33

<210> 55
<211> 33
<212> DNA
<213> primer sequence PL2for2

<400> 55
ccgtatagat cttaatgata catcagttgg aaa 33

<210> 56
<211> 31
<212> DNA
<213> primer sequence PL2bck1

<400> 56
ccgtataagc ttttattttg taaataccac c 31

<210> 57
<211> 37
<212> DNA
<213> primer sequence PL2bck2

<400> 57
ccgtatgaat tcaagctttt attttgtaaa taccacc 37

<210> 58
<211> 8
<212> PRT
<213> FLAG epitope

<400> 58

Met Asp Tyr Lys Asp Asp Asp Lys
1 5

<210> 59
<211> 53
<212> DNA
<213> primer RD 5' FLAG

<400> 59
gcggatccca tatggactac aaagacgatg acgacaaaca ggtgcagctg cag 53

<210> 60
 <211> 35
 <212> DNA
 <213> primer RD3'

<400> 60
 gcgaattcgt ggtggtggtg gtggtgtgac tctcc

35

<210> 61
 <211> 19
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> primer

<400> 61
 ggaaacagct atgaccatg

19

e1
 <210> 62
 <211> 27
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> primer

<400> 62
 ccataccta acgactcact atagggc

27

<210> 63
 <211> 52
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> primer

<220>
 <221> misc_feature
 <222> 51
 <223> n = A,T,C or G

<220>
 <221> misc_feature
 <222> 52
 <223> n = A,T,C or G

<400> 63
 ttctagaatt cagcggccgc tttttttttt tttttttttt tttttttttt nn

52

112408-122.ST25

<210> 64
<211> 19
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<400> 64
cggtttccct ctagaaata

19

el
anal